

Table S1

Organism resemblance	Act Sc	Max Sc	Rel Score	PN k	PN b	PN m	Rel P-Num	I-Cor	Score
<i>Bradyrhizobium</i> sp. USDA 3187	3046	6640	0.51	30	8	100	0.34	0.88	153
<i>Bradyrhizobium</i> sp. 13562	2602	7000	0.37	15	17	100	0.23	0.79	42
<i>Rhizobium</i> sp. USDA 3138	2298	7000	0.33	15	14	100	0.22	0.75	29
<i>Rhizobium leguminosarum</i> 13541	1936	7000	0.28	14	9	100	0.19	0.65	29
<i>Rhizobium leguminosarum</i> 13544	1728	7000	0.25	5	21	100	0.16	0.60	13
<i>Rhizobium leguminosarum</i> MM105	1601	7000	0.23	8	13	100	0.14	0.65	8
<i>Pseudomonas fluorescence</i> DSM 50090T HAM	1535	7000	0.22	9	12	100	0.15	0.61	7
<i>Pseudomonas fluorescence</i> DSMZ 50091HAM	1484	7000	0.21	10	8	100	0.14	0.62	6
<i>Shewanella putrefaciens</i> DSMZ 6067 HAM	912	6717	0.14	7	6	100	0.10	0.39	3

Table S2

Organism resemblance	Act Sc	Max Sc	Rel Score	PN k	PN b	PN m	Rel P-Num	I-Cor	Score
<i>Bradyrhizobium</i> sp. USDA 3187	926	7000	0.13	7	4	100	0.09	0.47	6
<i>Bradyrhizobium</i> sp. 13562	904	6713	0.15	8	4	100	0.1	0.29	4
<i>Rhizobium</i> sp. USDA 3138	834	6852	0.12	6	5	100	0.09	0.35	4
<i>Rhizobium leguminosarum</i> 13541	813	7000	0.12	4	6	100	0.07	0.43	3
<i>Rhizobium leguminosarum</i> 13544	601	6007	0.1	4	5	100	0.07	0.34	2
<i>Arachis</i> bacteria MM105	786	6947	0.11	5	5	100	0.07	0.25	2
<i>Pseudomonas fluorescence</i> DSM 50090THAM	746	6865	0.11	3	7	100	0.07	0.27	2
<i>Shewanella putrefaciens</i> DSMZ 6067 HAM	606	7000	0.09	4	5	100	0.07	0.27	2
<i>Staphylococcus simiae</i> DSM 17637	679	6917	0.1	3	6	100	0.06	0.24	1
<i>Staphylococcus captitis</i> ssp <i>captitis</i> DSM 6180	836	6650	0.13	6	5	100	0.09	0.13	1